

	<b>SOLICITUD DE IDENTIFICACIÓN DE PROTEÍNAS MEDIANTE nLC-MS/MS</b>
<b>SERVICIO DE PROTEÓMICA Y GENÓMICA</b>	

<b>Información Personal</b>		
Fecha de Solicitud:		
Nombre:		
Correo electrónico:		
Teléfono:		
Centro/Empresa:		
Departamento:		
Investigador responsable:		
Dirección postal:		
Número de Cuenta* ó NIF/CIF**		
Código Proyecto:	Proyecto H2020: Sí <input type="checkbox"/> No <input type="checkbox"/>	
<b>Equipo</b>	<input type="checkbox"/> Orbitrap Exploris 240 <input type="checkbox"/> Q-Exactive	
<b>Muestras</b>		
Número de muestras:	Volumen (µl):	Concentración(µg/µl):
Nombre muestras:		
<b>Taxonomía:</b> <small>(si son varios, especifique por muestra)</small>		
<b>Tipo electroforesis</b> <small>(si son varios, especifique por muestra)</small>	<input type="checkbox"/> Monodimensional (Adjuntar imagen del gel) <input type="checkbox"/> Bidimensional (Adjuntar imagen del gel)	
<b>Método de tinción</b> <small>(si son varios, especifique por muestra)</small>	<input type="checkbox"/> Azul de Coomassie <input type="checkbox"/> Otro (especifíquese)	
<b>Complejidad de la muestra</b> <small>(si son varias, especifique por muestra)</small>	<input type="checkbox"/> Sencilla (<5proteínas) <input type="checkbox"/> Media (<50 proteínas) <input type="checkbox"/> Alta (> 50 proteínas)	
Observaciones		Fdo.: Investigador responsable

Enviar a: Servicio de Proteómica y Genómica, CIB. C/ Ramiro de Maeztu 9,28040 Madrid.

e-mail: [proteomica@cib.csic.es](mailto:proteomica@cib.csic.es)

Los campos en rojo son obligatorios.

\*Para usuarios pertenecientes al CSIC.

\*\*Para usuarios de otros Organismos