

Aplicaciones

- Determinación de la secuencia amino terminal de proteínas y péptidos.
- Confirmar la identidad de proteínas recombinantes.
- Identificación en bases de datos.
- Identificación del sitio de corte producto de degradación proteolítica.
- Secuenciación de *novo*. Identificación de proteínas aisladas de especies en las que la mayoría del genoma aún no haya sido secuenciado y sus secuencias no estén disponibles en las bases de datos.
- Identificación de aminoácidos modificados o poco frecuentes cuyo análisis mediante espectrometría de masas presente dificultades.
- Comprobación de la secuencia y el grado de pureza de péptidos sintéticos.
- Control de calidad.